

構造生物薬学講座

| 氏名 | 所属 | 職名 | 取得学位 | 専門分野 | 主な論文・著作・業績 |
|--------|----------|-----|--------|-----------------|--|
| 野中 孝昌 | 構造生物薬学講座 | 教授 | 博士（工学） | 構造生物化学 物理系薬学 | <p>①Ideo, H., Matsuzaka, T., Nonaka, T., Seko, A. and Yamashita, K.: Galectin-8-N-domain recognition mechanism for sialylated and sulfated glycans. / J. Biol. Chem. 286: 275-282 (2011).</p> <p>②Tamura, M., Takeuchi, T., Nonaka, T., Ksai, K. and Arata Y.: Cross-link formation between mutant galectins of <i>Caenorhabditis elegans</i> with a substituted cysteine residue and asialofetuin via a photoactivatable bifunctional reagent. / Biol. Pharm. Bull. 34: 929-932 (2011).</p> <p>③Itagaki, T., Nishizaki, S., Sekihashi, K., Kobayashi, H., Kidokoro, S., Kezuka, Y., Arata, Y., Hirabayashi, J., Kasai, K. and Nonaka, T.: Crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of galectin LEC-1 from <i>Caenorhabditis elegans</i>. / Prot. Pept. Lett. 15: 419-422 (2008).</p> <p>④Kojima, M., Kezuka, Y., Nonaka, T., Hiragi, Y., Watanabe, T., Kimura, K., Takahashi, K., Yanagi, S. and Kihara, H.: SaxesMDView: a three-dimensional graphics program for displaying force vectors. / J. Synchrotron Radiat. 15: 535-537 (2008).</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究(C) 新規モデリング法を利用したモジュラーキチナーゼの立体構造と抗真菌機能の相関の解明 2012年～2014年</p> |
| 阪本 泰光 | 構造生物薬学講座 | 准教授 | 博士（薬学） | 構造生物化学 物理系薬学 | <p>①Sekiya, M., Sakamoto, Y., Futai, M. and Nakanishi-Matsui, M.: Role of α/β interface in F1 ATPase rotational catalysis probed by inhibitors and mutations. / Int J Biol Macromol. 99:615-621 (2017).</p> <p>②Sakamoto, Y., Suzuki, Y., Iizuka, I., Tateoka, C., Roppongi, S., Fujimoto, M., Inaka, K., Tanaka, H., Ohta, K., Gouda, H., Nonaka, T., Ogasawara, W. and Tanaka, N.: Structural and mutational analyses of dipeptidyl peptidase 11 from <i>Porphyromonas gingivalis</i> reveal the molecular basis for strict substrate specificity. / Scientific Reports 5:11151 (2015).</p> <p>③Nishiya, N., Sakamoto, Y., Oku, Y., Nonaka, T. and Uehara, Y.: JAK3 inhibitor VI is a mutant specific inhibitor for epidermal growth factor receptor with the gatekeeper mutation T790M / World J. Biol. Chem. 6: 409-418 (2015).</p> <p>④武田科学振興財団 薬学系研究奨励「課題名：糖非発酵グラム陰性細菌のペプチド代謝系を標的とする抗菌薬開発」2017年度</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究(C) 「課題名：糖非発酵グラム陰性細菌由来ジペプチド産生酵素の創薬分子基盤」2016年度～2018年度</p> |
| 毛塚 雄一郎 | 構造生物薬学講座 | 助教 | 博士（工学） | 構造生物化学 | <p>①Yoshida, Y., Sato, M., Kezuka, Y., Hasegawa, Y., Nagano, K., Takebe, J. and Yoshimura, F.: Acyl-CoA reductase PGN_0723 utilizes succinyl-CoA to generate succinate semialdehyde in a butyrate-producing pathway of <i>Porphyromonas gingivalis</i>. / Arch. Biochem. Biophys. 596: 138-148. (2016)</p> <p>②Ishibashi, K., Kezuka, Y., Kobayashi, C., Kato, M., Inoue, T., Nonaka, T., Ishikawa, M., Matsumura, H. and Katoh, E.: Structural basis for the recognition-evasion arms race between Tomato mosaic virus and the resistance gene Tm-1. / Proc. Natl. Acad. Sci. USA 111: E3486-3495. (2014)</p> <p>③Kezuka, Y., Yoshida, Y. and Nonaka, T.: Structural insights into catalysis by βC-lyase from <i>Streptococcus anginosus</i> / Proteins 80: 2447-2458. (2012)</p> <p>④歯科基礎医学会 若手研究者助成制度採択「課題名：Fusobacterium nucleatumにおける硫化水素産生機構の解明とその制御」2017年度</p> <p>⑤文部科学省科学研究費補助金 基盤研究(C) 「課題名：歯周病原細菌による有臭有毒物質産生を抑制する化合物の探索と改良」2016年度～2018年度</p> |